1. Genetinių pokyčių augalo ląstelėje sukėlimo būdas, kur minėtas būdas apima minėtos ląstelės veikimą DNR žirklėmis ir genų reparacijos oligonukleobaze (GRON),

kur DNR žirklės yra CRISPR-Cas,

kur GRON apima vieną arba daugiau įprastinių RNR ir DNR nukleotidų pakeitimų, minėti pakitimai pasirinkti iš vieno arba daugiau 2'O-metilnukleotidų 5' ir (arba) 3' galuose, atvirkštinės bazės (idC) 3' gale, O-(2-metoksietilo) (MOE) modifikacijos 5' ir (arba) 3' galuose, vienos arba daugiau Cy3 grupių 5' ir (arba) 3' galuose, kur Cy3 reiškia blokuotą fosforamiditą, kuriam įsiterpus į oligonukleotidą gaunamas 3,3,3',3'-tetrametil-N,N'-izopropilu pakeistas indomonokarbocianino dažas, ir vienos arba daugiau 3PS grupių 5' ir (arba) 3' galuose, kur 3PS žymi 3 fosfotioato jungtis, ir kur minėtas GRON yra nuo 15 iki 210 nukleotidų ilgio.

2. Būdas pagal 1 punktą, kur minėta GRON yra viengrandė.

3. Būdas pagal bet kurį iš 1 arba 2 punktų, kur GRON turi varijuojančią bazių porą, lyginant su tiksline seka genetiniam pokyčiui.

4. Būdas pagal bet kurį iš ankstesnių punktų, kur minėtas augalas yra pasirinktas iš grupės, susidedančios iš rapsų, saulėgrąžų, kukurūzų, tabako, cukrinių runkelių, medvilnės, kukurūzų, kviečių, miežių, ryžių, liucernos, miežių, sorgo, pomidorų, mango, persikų, obuolių, kriaušių, braškių, bananų, meliono, bulvės, morkos, salotų, svogūnų, sojos pupelių, sojos spp., cukranendrių, žirnių, avinžirnių, lauko žirnių, pupų, lęšių, ropių, griežčių, briuselio kopūstų, lubinų, žiedinių kopūstų, lapinių kopūstų, lauko pupelių, tuopų, pušų, eukalipto, vynuogių, citrusinių vaisių, kvietrugių, liucernos, rugių, avižų, vejos ir pašarinių žolių, linų, rapsų, garstyčių, agurkų, sukučių, balzamo, pipirų, baklažanų, medetkų, lotoso, kopūstų, ramunėlių, gvazdikų, tulpių, vilkdalgių, maniokos, lelijų ir riešutus auginančių augalų.

5. Būdas pagal bet kurį iš ankstesnių punktų, kur minėtas augalas yra rapsas, arba kur minėtas augalas yra kukurūzai, arba kur minėtas augalas yra kviečiai, arba kur minėtas augalas yra ryžiai, arba kur minėtas augalas yra sorgas, arba kur minėtas augalas yra bulvės, arba kur minėtas augalas yra sojos pupelės, arba kur minėtas augalas yra linai, arba kur minėtas augalas yra aliejiniai rapsai, arba kur minėtas augalas yra maniokas, arba kur minėtas augalas yra saulėgrąžos.

6. Būdas pagal bet kurį iš ankstesnių punktų, kuriame minėtas augalas yra *Brassica* genties augalas, pasirinktas iš *B. carinata, B. elongate, B. fruticulosa, B. juncea, B. napus, B. narinosa, B. nigra, B. oleracea, B. perviridis, B. rapa (syn B. campestris), B. rupestris, B. septiceps* ir *B. tournefortii*, ypač kur augalas yra *B. carinata*.

7. Būdas pagal bet kurį iš ankstesnių punktų, kur atliekama daug genetinių pokyčių.

8. Būdas pagal bet kurį iš ankstesnių punktų, kur yra naudojamos dvi arba daugiau nukreipiančių RNR.

9. Būdas pagal 8 punktą, kur kiekviena iš daugiau nei vienos nukreipiančiosios RNR yra komplementari skirtingam taikiniui, skirtam genetiniam pokyčiui.

10. Būdas pagal bet kurį iš ankstesnių punktų, kuriame CRISPR-Cas apima nikazę.

11. Būdas pagal bet kurį iš ankstesnių punktų, kur CRISPR-Cas apima dvi ar daugiau nikazių, ir (arba) kur du arba daugiau nikazių skaldymo vietų yra priešingose tikslinės nukleorūgščių sekos grandinėse, arba kur du arba daugiau nikazių skaldymo vietų yra toje pačioje tikslinės nukleorūgščių sekos grandinėje.