1. Izoliuotas arba išgrynintas, KRAS G12D-specifinis TCR (T ląstelės receptorius), apimantis aminorūgščių sekas SEQ ID Nr. 9-11 ir

(i) SEQ ID Nr. 12-14 arba (ii) SEQ ID Nr. 20-22.

2. Izoliuotas arba išgrynintas TCR pagal 1 punktą, apimantis aminorūgščių seką SEQ ID Nr. 15 ir apimantis aminorūgščių seką bent 99 % identišką aminorūgščių sekai (i) SEQ ID Nr. 16 arba (ii) SEQ ID Nr. 24.

3. Izoliuotas arba išgrynintas TCR pagal 2 punktą, apimantis aminorūgščių sekas SEQ ID Nr. 15 ir (i) SEQ ID Nr. 16 arba (ii) SEQ ID Nr. 24.

4. Izoliuotas arba išgrynintas TCR pagal bet kurį iš 1-3 punktų, papildomai apimantis:

(A) aminorūgščių seką bent 99 % identišką aminorūgščių sekai SEQ ID Nr. 46, kur:

(i) SEQ ID Nr. 46 sekos 48 padėtyje X yra Thr arba Cys;

(ii) SEQ ID Nr. 46 sekos 112 padėtyje X yra Ser, Ala, Val, Leu, Ile, Pro, Phe, Met arba Trp;

(iii) SEQ ID Nr. 46 sekos 114 padėtyje X yra Met, Ala, Val, Leu, Ile, Pro, Phe, or Trp;

ir

(iv) SEQ ID Nr. 46 sekos 115 padėtyje X yra Gly, Ala, Val, Leu, Ile, Pro, Phe, Met arba Trp;

ir

(B) aminorūgščių seką SEQ ID Nr. 47, kur SEQ ID Nr. 47 sekos 57 padėtyje X yra Ser arba Cys.

5. Izoliuotas arba išgrynintas TCR pagal 4 punktą, apimantis:

(A) aminorūgščių seką SEQ ID Nr. 46, kur:

(i) SEQ ID Nr. 46 sekos 48 padėtyje X yra Thr arba Cys;

(ii) SEQ ID Nr. 46 sekos 112 padėtyje X yra Ser, Ala, Val, Leu, Ile, Pro, Phe, Met arba Trp;

(iii) SEQ ID Nr. 46 sekos 114 padėtyje X yra Met, Ala, Val, Leu, Ile, Pro, Phe arba Trp;

ir

(iv) SEQ ID Nr. 46 sekos 115 padėtyje X yra Gly, Ala, Val, Leu, Ile, Pro, Phe, Met arba Trp;

ir

(B) aminorūgščių seka SEQ ID Nr. 47, kur SEQ ID Nr. 47 sekos 57 padėtyje X yra Ser arba Cys.

6. Izoliuotas arba išgrynintas TCR pagal bet kurį iš 1-5 punktų, apimantis aminorūgščių sekas bent 99 % identiškas aminorūgščių sekoms (i) SEQ ID Nr. 50 ir 51 arba (ii) SEQ ID Nr. 50 ir 53.

7. Izoliuotas arba išgrynintas TCR pagal 6 punktą, apimantis aminorūgščių sekas (i) SEQ ID Nr. 50 ir 51 arba (ii) SEQ ID Nr. 50 ir 53.

8. Izoliuotas arba išgrynintas, KRAS G12D-specifinis polipeptidas, apimantis aminorūgščių sekas SEQ ID Nr. 9-11 ir (i) SEQ ID Nr. 12-14 arba (ii) SEQ ID Nr. 20-22 pasirinktinai kur polipeptidas papildomai apima:

(A) aminorūgščių seką bent 99 % identišką aminorūgščių sekai SEQ ID Nr. 46, kur:

(i) SEQ ID Nr. 46 sekos 48 padėtyje X yra Thr arba Cys;

(ii) SEQ ID Nr. 46 sekos 112 padėtyje X yra Ser, Ala, Val, Leu, Ile, Pro, Phe, Met arba Trp;

(iii) SEQ ID Nr. 46 sekos 114 padėtyje X yra Met, Ala, Val, Leu, Ile, Pro, Phe arba Trp;

ir

(iv) SEQ ID Nr. 46 sekos 115 padėtyje X yra Gly, Ala, Val, Leu, Ile, Pro, Phe, Met arba Trp;

ir

(B) aminorūgščių seka SEQ ID Nr. 47, kur SEQ ID Nr. 47 sekos 57 padėtyje X yra Ser arba Cys.

9. Izoliuotas arba išgrynintas, KRAS G12D-specifinis polipeptidas pagal 8 punktą, kur polipeptidas apima:

(A) aminorūgščių seką SEQ ID Nr. 46, kur:

(i) SEQ ID Nr. 46 sekos 48 padėtyje X yra Thr arba Cys;

(ii) SEQ ID Nr. 46 sekos 112 padėtyje X yra Ser, Ala, Val, Leu, Ile, Pro, Phe, Met arba Trp;

(iii) SEQ ID Nr. 46 sekos 114 padėtyje X yra Met, Ala, Val, Leu, Ile, Pro, Phe arba Trp;

ir

(iv) SEQ ID Nr. 46 sekos 115 padėtyje X yra Gly, Ala, Val, Leu, Ile, Pro, Phe, Met arba Trp;

ir

(B) aminorūgščių seką SEQ ID Nr. 47, kur SEQ ID Nr. 47 sekos 57 padėtyje X yra Ser arba Cys.

10. Izoliuotas arba išgrynintas polipeptidas pagal 8 arba 9 punktą, apimantis aminorūgščių seką SEQ ID Nr. 15 ir aminorūgščių seką bent 99 % identišką aminorūgščių sekai (i) SEQ ID Nr. 16 arba (ii) SEQ ID Nr. 24.

11. Izoliuotas arba išgrynintas polipeptidas pagal 10 punktą, apimantis aminorūgščių sekas SEQ ID Nr. 15 ir (i)SEQ ID Nr. 16 arba (ii) SEQ ID Nr. 24.

12. Izoliuotas arba išgrynintas polipeptidas pagal bet kurį iš 8-11 punktų, apimantis aminorūgščių sekas bent 99 % identiškas aminorūgščių sekoms (i) SEQ ID Nr. 50 ir 51 arba (ii) SEQ ID Nr. 50 ir 53.

13. Izoliuotas arba išgrynintas polipeptidas pagal 12 punktą, apimantis aminorūgščių sekas (i) SEQ ID Nr. 50 ir 51 arba (ii) SEQ ID Nr. 50 ir 53.

14. Izoliuotas arba išgrynintas, KRAS G12D-specifinis baltymas, apimantis (a) pirmąją polipeptido grandinę, apimančią aminorūgščių sekas SEQ ID Nr. 9-11 ir antrąją polipeptido grandinę, apimančią aminorūgščių sekas SEQ ID Nr. 12-14; arba (b) pirmąją polipeptido grandinę, apimančią aminorūgščių sekas SEQ ID Nr. 9-11 ir antrąją polipeptido grandinę, apimančią aminorūgščių sekas SEQ ID Nr. 20-22, pasirinktinai kur:

(A) pirmoji polipeptido grandinė papildomai apima aminorūgščių seką bent 99 % identišką aminorūgščių sekai SEQ ID Nr. 46, kur:

(i) SEQ ID Nr. 46 sekos 48 padėtyje X yra Thr arba Cys;

(ii) SEQ ID Nr. 46 sekos 112 padėtyje X yra Ser, Ala, Val, Leu, Ile, Pro, Phe, Met arba Trp;

(iii) SEQ ID Nr. 46 sekos 114 padėtyje X yra Met, Ala, Val, Leu, Ile, Pro, Phe arba Trp;

ir

(iv) SEQ ID Nr. 46 sekos 115 padėtyje X yra Gly, Ala, Val, Leu, Ile, Pro, Phe, Met arba Trp;

ir

(B) antroji polipeptido grandinė papildomai apima aminorūgščių seką SEQ ID Nr. 47, kur SEQ ID Nr. 47 sekos 57 padėtyje X yra Ser arba Cys.

15. Izoliuotas arba išgrynintas, KRAS G12D-specifinis baltymas pagal 14 punktą, kur:

(A) pirmoji polipeptido grandinė apima aminorūgščių seką SEQ ID Nr. 46, kur:

(i) SEQ ID Nr. 46 sekos 48 padėtyje X yra Thr arba Cys;

(ii) SEQ ID Nr. 46 sekos 112 padėtyje X yra Ser, Ala, Val, Leu, Ile, Pro, Phe, Met arba Trp;

(iii) SEQ ID Nr. 46 sekos 114 padėtyje X yra Met, Ala, Val, Leu, Ile, Pro, Phe arba Trp; ir

(iv) SEQ ID Nr. 46 sekos 115 padėtyje X yra Gly, Ala, Val, Leu, Ile, Pro, Phe, Met arba Trp;

ir

(B) antroji polipeptido grandinė papildomai apima aminorūgščių seką SEQ ID Nr. 47, kur SEQ ID Nr. 47 sekos 57 padėtyje X yra Ser arba Cys.

16. Izoliuotas arba išgrynintas baltymas pagal 14 arba 15 punktą, apimantis (i) pirmąją polipeptido grandinę, apimančią aminorūgščių seką SEQ ID Nr. 15 ir antrąją polipeptido grandinę, apimančią aminorūgščių seką bent 99 % identišką aminorūgščių sekai SEQ ID Nr. 16; arba

(ii) pirmąją polipeptido grandinę, apimančią aminorūgščių seką SEQ ID Nr. 15 ir antrąją polipeptido grandinę, apimančią aminorūgščių seką bent 99 % identišką aminorūgščių sekai SEQ ID Nr. 24.

17. Izoliuotas arba išgrynintas baltymas pagal 16 punktą, apimantis (i) pirmąją polipeptido grandinę, apimančią aminorūgščių seką SEQ ID Nr. 15 ir antrąją polipeptido grandinę, apimančią aminorūgščių seką SEQ ID Nr. 16; arba

(ii) pirmąją polipeptido grandinę, apimančią aminorūgščių seką SEQ ID Nr. 15 ir antrąją polipeptido grandinę, apimančią aminorūgščių seką SEQ ID Nr. 24.

18. Izoliuotas arba išgrynintas baltymas pagal bet kurį iš 14-17 punktų, kur: (1) pirmoji polipeptido grandinė apima aminorūgščių seką bent 99 % identišką aminorūgščių sekai SEQ ID Nr. 50 ir antroji polipeptido grandinė apima aminorūgščių seką bent 99 % identišką aminorūgščių sekai SEQ ID Nr. 51; arba

(2) pirmoji polipeptido grandinė apima aminorūgščių seką bent 99 % identišką aminorūgščių sekai SEQ ID Nr. 50 ir antroji polipeptido grandinė apima aminorūgščių seką bent 99 % identišką aminorūgščių sekai SEQ ID Nr. 53.

19. Izoliuotas arba išgrynintas baltymas pagal 18 punktą, kur: (1) pirmoji polipeptido grandinė apima aminorūgščių seką SEQ ID Nr. 50 antroji polipeptido grandinė apima aminorūgščių seką SEQ ID Nr. 51; arba (2) pirmoji polipeptido grandinė apima aminorūgščių seką SEQ ID Nr. 50 ir antroji polipeptido grandinė apima aminorūgščių seką SEQ ID Nr. 53.

20. Izoliuota arba išgryninta nukleorūgštis, apimanti nukleotidų seką, koduojančią TCR pagal bet kurį iš 1-7 punktų, polipeptidą pagal bet kurį iš 8-13 punktų, baltymą pagal bet kurį iš 14-19 punktų arba rekombinantinį ekspresijos vektorių, apimantį nukleorūgštį.

21. Izoliuota arba išgryninta ląstelė šeimininkė, apimanti rekombinantinį ekspresijos vektorių pagal 20 punktą arba ląstelių šeimininkių populiaciją, apimančią bent vieną izoliuotą arba išgrynintą ląstelę šeimininkę.

22. Farmacinė kompozicija, apimanti TCR pagal bet kurį iš 1-7 punktų, polipeptidas pagal bet kurį iš 8-13 punktų, baltymą pagal bet kurį iš 14-19 punktų, nukleorūgštį pagal 20 punktą, rekombinantinį ekspresijos vektorių pagal 20 punktą, ląstelę šeimininkę pagal 21 punktą arba ląstelių šeimininkių populiaciją pagal 21 punktą ir farmaciniu požiūriu priimtiną nešiklį.

23. Vėžio buvimo žinduolyje aptikimo būdas, kur būdas apima:

(a) mėginio, apimančio vėžio ląsteles, kontaktavimą su TCR pagal bet kurį iš 1-7 punktų, polipeptidu pagal bet kurį iš 8-13 punktų, baltymu pagal bet kurį iš 14-19 punktų, nukleorūgštimi pagal 20 punktą, rekombinantiniu ekspresijos vektoriumi pagal 20 punktą, ląstele šeimininke pagal 21 punktą, ląstelių šeimininkių populiacija pagal 21 punktą arba farmacine kompozicija pagal 22 punktą, taip suformuojant kompleksą; ir

(b) komplekso aptikimą, kur komplekso aptikimas rodo vėžio buvimą žinduolyje, pasirinktinai kur vėžys yra kasos, gaubtinės ir tiesiosios žarnos, plaučių, endometriumo, kiaušidžių ar prostatos vėžys.

24. TCR pagal bet kurį iš 1-7 punktų, polipeptidas pagal bet kurį iš 8-13 punktų, baltymas pagal bet kurį iš 14-19 punktų, nukleorūgštis pagal 20 punktą, rekombinantinis ekspresijos vektorius pagal 20 punktą, ląstelė šeimininkė pagal 21 punktą, ląstelių šeimininkių populiacija pagal 21 punktą arba farmacinė kompozicija pagal 22 punktą, skirti naudoti žinduolių vėžio gydymui arba profilaktikai, kur vėžys yra kasos, gaubtinės ir tiesiosios žarnos, plaučių, endometriumo, kiaušidžių arba prostatos vėžys.